

Alba González Arandilla
Unidad de Proteómica
Hospital Nacional de Parapléjicos
agarandilla@sescam.iccm.es

Licenciada en Químicas en 2007 por la Universidad de Burgos.

En 2008 comienza su formación en espectrometría de masas gracias a una beca Citius en la farmacéutica Janssen-Cilag en Toledo estando involucrada en la identificación y desarrollo de métodos para fármacos así como del control de calidad. Los equipos utilizados fueron UHPLC-MS y GC-MS.

En 2009 se une a la unidad de espectrometría de masas del instituto de investigación Química de Cataluña (ICIQ, Tarragona) donde llevó a cabo el análisis de una amplia variedad molecular, siendo responsable del mantenimiento de los equipos y dando soporte a los investigadores. Los equipos manejados fueron LC-MS-TOF y MALDI-TOF.

Más adelante, en 2011 tuvo la oportunidad de unirse al grupo del Dr. Matthias Trost (experto en phospho-mapping) en "Protein Phosphorylation and Ubiquitylation Unit" en Dundee, Escocia.

Estuvo involucrada en la metodología de Selection Reaction Monitoring (SRM) para el perfil global de quinasas. Para ello manejó principalmente un QTRAP 5500, usando los software Analyst y Skyline para el análisis de datos. Además usó diferentes herramientas para la interpretación de datos (Mascot, ProteinProspector, etc.) y la preparación de muestras (cultivos celulares, SDS-PAE, Western Blot, etc).

En Mayo de 2015 se incorpora a la Unidad de Proteómica del Hospital Nacional de Parapléjicos llevando a cabo análisis proteicos mediante espectrometría de masas (QTrap 4000 y un MALDI-TOF) y electroforesis.

Publicaciones:

[Quantitative proteome analysis of temporally resolved phagosomes following uptake via key phagocytic receptors.](#)

Dill BD, Gierlinski M, Härtlova A, Arandilla AG, Guo M, Clarke RG, Trost M.

Mol Cell Proteomics. 2015 May;14(5):1334-49. doi: 10.1074/mcp.M114.044594.

PMID: 25755298

[Binding to serine 65-phosphorylated ubiquitin primes Parkin for optimal PINK1-dependent phosphorylation and activation.](#)

Kazlauskaite A, Martínez-Torres RJ, Wilkie S, Kumar A, Peltier J, Gonzalez A, Johnson C, Zhang J, Hope AG, Pegg M, Trost M, van Aalten DM, Alessi DR, Prescott AR, Knebel A, Walden H, Muqit MM.

EMBO Rep. 2015 Aug;16(8):939-54. doi: 10.15252/embr.201540352.

PMID: 26116755

[Protein kinase D2 is a digital amplifier of T cell receptor-stimulated diacylglycerol signaling in naïve CD8⁺ T cells.](#)

Navarro MN, Feijoo-Carnero C, Arandilla AG, Trost M, Cantrell DA.

Sci Signal. 2014 Oct 21;7(348):ra99. doi: 10.1126/scisignal.2005477.

PMID: 25336615